

## เอกสารอ้างอิง

- จินต์ ทองสม, ภัทรพร คุ่มภัย, ชีระชัย ธนานันต์ และนฤมล ธนานันต์. (2558). การวิเคราะห์ความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของกล้วยไม้สกุลแวนด้าหมู่เข็มโดยใช้ลำดับนิวคลีโอไทด์ของยีน *rbcL* และซันดีเอ็นเอที่อยู่ระหว่างยีน *trnH* กับ *psbA*. วารสารวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี, 23(6) (ฉบับพิเศษ), หน้า 994-1005.
- นันทิตา วงศ์หวน. (2558). การศึกษาฤทธิ์ต้านเชื้อจุลินทรีย์ของสารสกัดจากพืชในวงศ์ลิ้นทมบางชนิด. วิทยานิพนธ์มหาบัณฑิต. สาขาวิชาวิทยาศาสตร์ศึกษา, มหาวิทยาลัยราชภัฏกาญจนบุรี.
- นฤมล ธนานันต์, ศรีญลักษณ์ นาคขาว และชีระชัย ธนานันต์. (2554). การวิเคราะห์ความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของโมกและพุดด้วยอาร์เอฟดี. วารสารวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี, 19(1), หน้า 1-8.
- ปริญญา สุขแก้วมณี. (2548). การศึกษาสัณฐานวิทยาละอองเรณูของพรรณไม้วงศ์ลิลาวตี ในมหาวิทยาลัยราชภัฏสุราษฎร์ธานี. ม.ป.ท..
- พิณชนก มะลิมาตย์, ปิยะพร แสนสุข และอุษา ทองไพโรจน์. (2556). สัณฐานวิทยาของต่อมโคนกลีบเลี้ยง (Colleter) ของพืชวงศ์ลิลาวตี (Apocynaceae). วารสารวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยีมหาวิทยาลัยมหาสารคาม, 9, หน้า 683-691.
- ศรินทร แก่นแก้ว. (2553). การศึกษาความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของพืชสกุล *Mangifera* พื้นเมืองในภาคใต้ของประเทศไทยโดยใช้เทคนิคอาร์เอฟดี. วิทยานิพนธ์มหาบัณฑิต. สาขาวิชาพืชศาสตร์, มหาวิทยาลัยสงขลานครินทร์.
- สุภาวดี ง้อเหรียญ. (2552). ลิลาวตี พรรณไม้งามกับมูลค่าทางเศรษฐกิจ ที่ไม่ควรมองข้าม. จดหมายข่าวผลิใบ ก้าวใหม่การวิจัยและพัฒนาการเกษตร, ฉบับที่ 2 ประจำเดือน มีนาคม พ.ศ. 2552.

สมชาย แสงอำนาจเดช. (2008). ขั้นตอนง่าย ๆ ในการสร้างไฟโลจีเนติกทรี. **Naresuan University Journal**, 16(2), หน้า 181-188.

สุรินทร์ ปิยะโชคณากุล. (2545). **จีโนมและเครื่องหมายดีเอ็นเอ: ปฏิบัติการอาร์เอพีดีและเอเอฟแอลพี**. พิมพ์ครั้งที่ 1. กรุงเทพมหานคร: สำนักพิมพ์มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์.

สุรินทร์ ปิยะโชคณากุล. (2552). **เครื่องหมายดีเอ็นเอ: จากพื้นฐานสู่การประยุกต์**. กรุงเทพมหานคร: สำนักพิมพ์มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์.

สุรีพร เกตุงาม. (2546). เครื่องหมายดีเอ็นเอในงานปรับปรุงพันธุ์พืช. **วารสารวิชาการมหาวิทยาลัยอุบลราชธานี**, 5 (2), หน้า 37-59.

อมรา คัมภีรานนท์. (2546). **พันธุศาสตร์มนุษย์**. กรุงเทพมหานคร: เท็กซ์แอนด์เจอร์นัลพับลิเคชั่น.

Aljumaili, S.J., Rafii, M.Y., Latif, M.A., Sakimin, S.Z., Arolu, I.W., & Miah, G.. (2018). Genetic diversity of aromatic rice germplasm revealed by SSR markers. **BioMed Research International**, 2018, pp. 1-11.

Chesnokov, Y.V., Artemyeva, A.M.. (2015). Evaluation of the measure of polymorphism information of genetic diversity. **Agricultural Biology**, 50, pp. 571-578.

Choudhary, S., Sharma, R., Meena, R.S., & Verma, A.K., (2018). Molecular diversity analysis in fennel (*Foeniculum vulgare* Mill) genotypes and its implications for conservation and crop breeding. **International Journal of Current Microbiology and Applied Sciences**, 7 (3), pp. 794-809.

Crooijmans, R.P., van Oers, P.A., Strijk, J.A., van der Poel, J.J., & Groenen, M.A.. (1996). Preliminary linkage map of the chicken (*Gallus domesticus*) genome based on microsatellite markers. **Poultry Science**, 75 (6), pp. 746-754.

- Doyle, J.J. & Doyle, J.L.. (1987). A rapid DNA isolation procedure for small quantities of fresh leaf tissue. **Phytochemical Bulletin**, 19, pp. 11-15.
- Hapl, V., Pavlicek, A. & Flegr, J.. (2001). Construction and bootstrap analysis of DNA fingerprinting-based phylogenetic trees with the freeware program FreeTree: application to trichomonad parasites. **International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology**, 51, pp. 731-735.
- Innark, P., Ratanachan, T., Khanobdee, C., Samipak, S., & Jantasuriyarat, C.. (2014). Downy mildew resistant/susceptible cucumber germplasm (*Cucumis sativus* L.) genetic diversity assessment using ISSR markers. **Crop Protection**, 60, pp. 56-61.
- Jeffreys, A.J., Wilson V., & Thein, S.L.. (1985). Individual-specific 'fingerprints' of human DNA. **Nature**, 316, pp.76-79.
- Leilei, Z., Xiaoxue, Y., Jie, S., & Xinjun X.. (2018). Identification of three kinds of *Plumeria* flowers by DNA barcoding and HPLC specific chromatogram. **Journal of Pharmaceutical Analysis**, DOI: <https://doi.org/10.1016/j.jpha.2018.02.002>.
- Malage, D.R. , Dudhare, M.S. , Bangar, S.S. , Wagh, H. , Rathod, J. , Jadhao, P.V., & Gade, R.M.. (2018). Standardization of isolation of genomic DNA from *Senna obtusifolia*. **International Journal of Current Microbiology and Applied Sciences**, Special Issue-6, pp. 647-652.
- Meerow, A.W., Criley, R., & Schnell, R.J.. (2006). Genetic variation and relationships among frangipani cultivars. **HortScience**, 41(4), p. 1001.

Natural Resources Conservation Service [USDA]. (2018). **Classification Report.**

Retrieved June 4, 2018, from

<https://plants.usda.gov/java/ClassificationServlet?source=display&classid=PLUME#>

Nei, M., & Li, W.H.. (1979). Mathematical model for studying genetic variation in terms of restriction endonucleases. **Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America**, 76 (10), pp. 5269-5273.

Panyanitikoon, H.. (2015). **Genetic diversity using RAPD markers and linkage map construction of cucumber (*Cucumis sativus* L.)**. master's thesis. Department of Genetics, Faculty of Science, Kasetsart University.

Pasqualone, A.. (2013). Cultivar identification and varietal traceability in processed foods: a molecular approach. in Katya Carbone (ed.). **Cultivars** (pp. 83-105). New York: Nova Science Publishers.

Perez, K.. (2015). **Testing the utility of intergenic spacer regions to identify distinct *Plumeria* taxa** (poster). ASHS 2015 Annual Conference, New Orleans.

Prevost, A. & Wilkinson, M.J.. (1999). A new system of comparing PCR primers applied to ISSR fingerprinting of potato cultivars. **Theoretical and Applied Genetics**, 97, pp. 107-112.

Rohlf, F.J. (2000). **NTSYS-pc: numerical taxonomy system Ver. 2.1**. Setauket, New York: Exeter Software.

Rolánd-Ruiz, I., Dendauw, J., Bockstaele, E.V., Depicker, A., & De-Loose, M.. (2000). AFLP markers reveal high polymorphic rates in Ryegrasses (*Loium* spp.). **Molecular Breeding**, 6, pp. 125-135.

- Suresh, S., Chung, J.-W., Cho, G.-T., Sung, J.-S., Park, J.-H., Gwag, J.-G., & Baek, H.-J.. (2014). Analysis of molecular genetic diversity and population structure in *Amaranthus* germplasm using SSR markers. **Plant Biosystems**, 148, pp. 635-644.
- Tiwari, P & Shrivastav, A.. (2016). Efficacy of RAPD markers for molecular diversity analysis of *Withania somnifera* (L) Dunal in central India. **International Journal of Advanced Research in Biological Sciences**, 3(7), pp. 126-130.
- Williams, J.G.K., Kubelik, A.R., Livak, K.I., Rafalski, J.A., & Tingey, S.V.. (1990). DNA polymorphisms amplified by arbitrary primers are useful as genetic markers. **Nucleic Acids Research**, 18, pp. 6231-6235.
- Yang, Z., Lu, R., Dai, Z., Yan, A., Chen, J., Bai, Z., Xie, D., Tang, Q., Cheng, C., Xu, Y., & Su, J.. (2018). Analysis of genetic diversity and population structure of a worldwide collection of *Corchorus olitorius* L. germplasm using microsatellite markers. **Biotechnology & Biotechnological Equipment**, DOI: 10.1080/13102818.2018.1438852.
- Zhuang, F.Y., Chen, J.F., Staub, J.E., & Qian, C.T.. (2004). Assessment of genetic relationships among *Cucumis* spp. by SSR and RAPD marker analysis. **Plant Breeding**, 123, pp. 167-172.